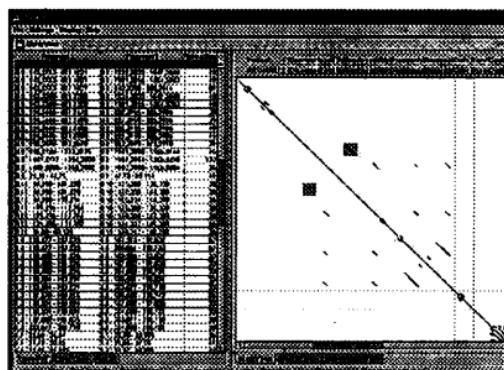


阪 大

修正点 100倍速く検索

銀行などの基幹システム



膨大な行数のプログラムの中から類似した部分を見つける場所を示す

一の基幹システムに、同じようなミスを含む部分が多数存在する可能性がある。新ソフトは、こうした際に、該当部分を高速で検索できる。

例え、約一千万行の

プログラムの場合、求め部分を一時間程度で検索できる。従来、ソフトウェアの学会などで公表されている類似ソフトでは五六十万行を調べるのに数時間かかっていた。

新ソフトの基本原理はヒトゲノム（人間の全遺伝情報）解読に使ったソフトと同じ。ゲノム解読では、バラバラになったDNA（デオキシリボ核酸）断片の塩基配列を読みとて、同じような配

列パターン同士を高速で探してつなげていく。井上教授らはプログラムの上教授らはプログラムの命令文を塩基情報に見立てることで、同じような命令文が何行か書かれていた際に、該当部分を高速で発見できるようにした。

プログラムを不正盗用された場合、盗用元のプログラムと類似した部分が出てくるので、新ソフトを使えば、こうした類似点を高速で見つけ出し、盗用の有無をチェックできる。

大阪大学の井上克郎教授らは銀行や政府の基幹システムに使う大規模なプログラムの点検や改良を容易にするソフトを開発した。修正が必要な部分を従来の百分の一以下の時間で効率よく見つけ出せる。プログラムの類似部分があるかどうか探して不正盗用をチェックするのにも役立つ。銀行や企業、政府機関に採用を呼びかける。

銀行や政府の基幹シス

テムのプログラムは計算

うな内容の部分が十カ所

以上含まれる場合が多

い。そのため、一つのミ

スが発見された場合、同

じよう

命令が数十万—数百万行

かかる。

